

	2BT								
181I	1.25	2.5	5	7.5	10	Radial - 4 Ang	Radial - 6 Ang	RINRUS - Probe	RINRUS - Arpeggio
Ligand	164	164	164	164	164	164	164	164	164
	78	78	78	78	78	78	78	78	78
	83	83					83		
	84	84	84	84	84	84	84	84	84
	85	85	85	85	85		85		
	86	86					86		
	87	87	87	87	87	87	87	87	87
	88	88	88	88	88	88	88	88	
	89	89					89		88
							90		
	91	91	91	91	91	91	91	91	91
							95		
	96	96							
	98						98		
	99	99	99	99	99	99	99	99	99
	100	100	100	100	100		100		
	101								
	102	102	102	102	102	102	102	102	102
	103	103	103	103	103	103	103	103	103
	108						108		
	111	111	111	111		111	111	111	111
	112								
	114						114		
	118	118	118	118	118	118	118	118	118
	119								
	121	121	121	121	121	121	121	121	121
							133		
	153	153	153	153	153	153	153		153
Total no. residues:	25	19	15	15	14	13	24	12	13

	2BT								
1LI2	1.25	2.5	5	7.5	10	Radial - 4 Ang	Radial - 6 Ang	RINRUS - Probe	RINRUS - Arpeggio
Ligand	163	163	163	163	163	163	163	163	163
	10								
	11								
	22								
							74		
	78	78	78	78	78	78	78	78	78
	81						81		
							83		
	84	84	84	84	84	84	84	84	84
	85	85	85	85	85		85		
	86	86					86		
	87	87	87	87	87	87	87	87	87
	88	88	88	88	88	88	88	88	88
	89	89	89	89			89		
							90		
	91	91	91	91	91	91	91		91
	92								
	95								
							96		
							98		
	99	99	99	99	99	99	99	99	99
	100	100	100	100	100	100	100		100
	101								
	102	102	102	102	102	102	102	102	102
	103	103	103	103	103	103	103	103	102
							108		
	111	111	111	111	111	111	111	111	111
	114						114		
	115								
							117		
	118	118	118	118	118	118	118	118	118
	119								
	121	121	121	121	121	121	121	121	121
	124	124							
	125								
	128								
							133		
	137								
	153	153	153	153		153	153		153
Total no. residues:	31	18	16	16	14	14	27	11	14

	2BT								
1O48	1.25	2.5	5	7.5	10	Radial - 4 Ang	Radial - 6 Ang	RINRUS - Probe	RINRUS - Arpeggio
Ligand	107	107	107	107	107	107	107	107	107
	1	1							
	6								
	11	11	11	11	11				
	13								
	14	14	14	14	14	14	14	14	14
	15	15	15	15	15		15		
	16	16	16						
	17	17							
	18	18	18						
	19	19	19	19					
	28	28	28	28					
	33								
	34	34	34	34	34	34	34	34	34
	35	35	35	35	35		35		35
	36	36	36	36	36	36	36	36	36
	37	37	37	37	37	37	37	37	37
	38	38	38	38	38	38	38	38	38
	39	39	39	39	39	39	39	39	39
	40	40	40						
	41	41							
	43						43		
	44	44	44	44	44	44	44	44	44
							45		
	46	46	46				46		
	48								
	49	49	49	49	49				
	50								
	51	51	51	51	51				
	54	54	54	54	54		54		
	57								
	59	59	59	59	59	59	59	59	59
	60	60	60	60	60	60	60	60	60
	61	61	61	61	61	61	61	61	61
	62	62	62	62	62	62	62	62	62
	63	63							
	64	64				64	64		64
	65								
	67								
	72								
	73	73	73	73	73	73	73	73	73
	74	74	74	74	74	74	74	74	74
	75	75							
	76	76					76		
	77	77	77				77		77
	88						88		
	89	89	89	89	89	89	89	89	89
	91	91							
	92	92	92				92		
	93						93		93
	94	94	94	94	94	94	94	94	94
	95	95	95	95	95	95	95	95	95
	96	96	96	96	96	96	96	96	96
	97	97	97	97		97	97		
	98	98	98	98					
	99	99							
	106								
Total no. residues:	56	43	34	28	24	20	31	18	22

	2BT								
1BOZ	1.25	2.5	5	7.5	10	Radial - 4 Ang	Radial - 6 Ang	RINRUS - Probe	RINRUS - Arpeggio
Ligand	400	400	400	400	400	400	400	400	400
	1								
	6						6		
	7	7	7	7	7	7	7	7	7
	8	8	8	8	8	8	8	8	8
	9	9	9	9	9	9	9		9
	10	10							
	11	11							
	12								
	13								
	18								
	20	20				20	20		20
	21	21	21	21	21	21	21	21	21
	22	22	22	22	22		22		22
	23	23	23						
	24						24		
							25		
	26	26	26			26	26		26
							27		
	28	28	28				28		
	29								
	30	30	30	30	30		30		30
						31	31	31	31
	32						32		
	33	33	33				33		
	34	34	34	34	34	34	34	34	34
	35	35	35	35	35	35	35	35	35
	36	36					36		
	37	37					37		
	38	38	38				38		
	39								
	44	44							
	46	46							
	49								
	50	50	50			50	50		
							51		
	52	52	52	52	52		52		52
	55								
	56					56	56	56	56
	57	57	57	57	57		57		
	58								
	59					59	59		
	60	60	60	60	60	60	60	60	60
	61	61	61	61	61	61	61	61	61
	62	62	62						
	63	63	63	63	63		63		
	64	64	64	64	64	64	64	64	64
	65						65		
							66		
	67	67	67	67	67	67	67	67	67
	68	68	68	68	68		68		
	69								
						70	70	70	70
							72		
	74								
	78								
	80								
	81	81							

	95								
	101	101							
	104	104							
	108	108							
	110	110							
	113						113		
	114	114					114		
	115	115	115	115	115	115	115	115	115
							116		
	117								
	121	121				121	121		
	122								
	123								
	133								
							134		
	135	135	135			135	135		135
						136	136	136	136
	137	137	137						
							138		
	140								
	141	141	141	141	141				
	143	143	143						
	145	145							
	150	150	150	150	150				
	152	152	152						
	154	154							
	155	155							
	157								
	161	161							
	168	168							
	170								
	171	171	171						
	172	172	172						
	176	176							
	178	178	178						
	180	180	180	180	180				
	183	183							
	184	184							
	186	186							
	187	187	187	187	187	187	187	187	187
Total no. residues:	87	59	36	22	22	23	48	16	23